

VGH-ML-tutkimus täydentyy akuutin lymfaattisen leukemian diagnostiikassa tarvittavien geenien osalta 30.11.2020 alkaen

Muuttuvat tutkimukset	8261	Bm-VGH-ML	Vertaileva genominen hybridisaatio -mikrolevytesti, luuytimestä
	8262	B –VGH-ML	Vertaileva genominen hybridisaatio -mikrolevytesti, verestä
	8263	Ts-VGH-ML	Vertaileva genominen hybridisaatio -mikrolevytesti, kudoksenäytteestä

Asia Tutkimukseen käytetyn mikrosirun sisältö laajenee

Johdanto HUSLABin tutkimusvalikoimassa olevaan VGH-ML-tutkimukseen käytetty mikrosiru on laajennettu kattamaan AllTogether–protokollan vaatimat geenialueet. Tutkimuksen lyhenne, pitkä nimi ja numero säilyvät ennallaan. Tutkimuksen hinta ei muutu.

Menetelmä Molekyylirikaryotyypitys (aCGH). Akkreditoitu menetelmä.

Yleistä VGH-ML-tutkimukseen käytetylle mikrosirulle (OGT Concertium Cancer +SNP 180K) on lisätty kohdennetusti lisää koettimia geenialueille *EBF1*, *IKZF1*, *PAX5*, *CDKN2A*, *CDKN2B*, *ETV6*, *BTG1* ja *RB1* sekä pseudoautosomaaliselle PAR1-alueelle. Näiltä geenialueilta raportoidaan AllTogether–protokollan mukaiset kopiolumuutokset eksonitasolla. Muiden geenialueiden osalta ei tapahdu muutoksia.

Muuta Lisätietoja löytyy HUSLAB-ohjekirjasta (www.huslab.fi/ohjekirja)

Allekirjoitukset	Anne Juvonen Sairaalageneetikko	Soili Kytölä Sairaalageneetikko, prosessivastaava	Anna-Kaisa Anttonen Ylilääkäri, vastuualuejohtaja
	HUSLAB Genetiikan laboratorio puh. 050 428 6912	HUSLAB Genetiikan laboratorio puh. 050 427 9125	HUSLAB Genetiikan laboratorio puh. 050 427 0523